

Documentação





VII SIMPÓSIO DA REDE DE RECURSOS GENÉTICOS VEGETAIS DO NORDESTE

MUDANÇAS CLIMÁTICAS E COMBATE À FOME: DESAFIOS PARA
OS BANCOS GENÉTICOS E COMUNIDADES RURAIS
28 A 31 DE OUTUBRO DE 2025 | UFPI-TERESINA

Subárea: Documentação

FEIJÃO-FAVA: INVENTÁRIO DA BIODIVERSIDADE NO BANCO DE GERMOPLASMA DE *PHASEOLUS* (UFPI)

Kathully Karolaine Brito Torres^{1*}; Verônica Brito da Silva¹; Carlos Humberto Aires
Matos Filho¹; Ângela Celis de Almeida Lopes¹; Regina Lucia Ferreira Gomes¹

¹Universidade Federal do Piauí. * kathully@ufpi.edu.br

A conservação de genótipos de culturas de interesse é uma ferramenta indispensável frente ao estreitamento da base genética, combatendo a erosão da variabilidade genética e garantindo a segurança alimentar. Nesse contexto, o feijão-fava (*Phaseolus lunatus* L.) assume grande importância socioeconômica, sendo amplamente cultivado pela agricultura familiar no Nordeste brasileiro. A manutenção *ex situ* desta variabilidade é realizada por coleções como o Banco de Germoplasma de *Phaseolus*. Para que o potencial genético dos acessos seja efetivamente disponibilizado e utilizado, a documentação e o gerenciamento sistemático de acessos mostram-se cruciais, garantindo a rastreabilidade e a tomada de decisão no melhoramento genético. Com esse trabalho, objetiva-se quantificar os acessos do banco de Germoplasma de *Phaseolus* quanto à origem e cor de fundo do tegumento. A base de dados utilizada foi o registro de entrada de acessos cujo primeiro acesso data de 2002 até abril de 2025. As informações foram agrupadas no Excel e os gráficos plotadas no software R. A coleção contempla, hoje, 1240 acessos do gênero *Phaseolus*, dos quais 71,6% são originários do Brasil, 7,3% são internacionais e 21,0% são de fonte desconhecida. O estado do Piauí é o que mais se destaca dentre os estados brasileiros no quantitativo de acessos, seguido do Ceará, Distrito Federal e Paraíba. Além da grande parcela dos acessos serem de espécies cultivadas, 15 acessos presentes são de espécies silvestres, sendo estas *P. filiformes*, *P. microcarpus* e *P. acutifolius* provenientes do CIAT. Maior proporção do material conservado apresenta cor de fundo branca, seguida de castanho e cinzento, com 43,1%, 9,84% e 8,31% da participação respectivamente. Esses percentuais evidenciam a preferência majoritária por sementes de coloração branca em relação às mais escuras. Resultados promissores obtidos com as pesquisas incluem a caracterização do germoplasma quanto à resistência a fatores bióticos, termotolerância, plasticidade fenotípica, estimativa da erosão genética, potencial de nodulação por rizóbios, identificação de isolados e a caracterização do germoplasma associado ao microbioma e avaliação de variedades crioulas, além de caracterizações citogenéticas, moleculares e estudos etnobotânicos. As atividades realizadas impulsionam a capacitação de estudantes de graduação e pós-graduação, atuando na formação de recursos humanos por meio de ações de ensino, pesquisa e extensão facilitando a troca de experiências com o público externo.

Palavras-chave: *Phaseolus lunatus*; Conservação *ex situ*; Variabilidade genética.

Agradecimentos: À UFPI, CNPq, CAPES e FAPEPI, por subsidiar as pesquisas desenvolvidas.





VII SIMPÓSIO DA REDE DE RECURSOS GENÉTICOS VEGETAIS DO NORDESTE

MUDANÇAS CLIMÁTICAS E COMBATE À FOME: DESAFIOS PARA
OS BANCOS GENÉTICOS E COMUNIDADES RURAIS
28 A 31 DE OUTUBRO DE 2025 | UFPI-TERESINA

Subárea: Documentação

MIGRAÇÃO DE DADOS DO HERBÁRIO CNPO DA EMBRAPA PECUÁRIA SUL PARA O ALELO *HERBARIUM*

Ana Cristina Mazzocato^{1*}; Luís Felipe Ritta Gonçalves²; Tainá Silva Gularte²;
Daniane Muniz Veiga³; Marcos Vinícius Silva Meleiro⁴; Henry Gomes de Carvalho¹

¹Embrapa Pecuária Sul. ²Instituto Federal Farroupilha-IFSul. ³Universidade Federal do Pampa-UNIPAMPA. ⁴Centro Universitário da Região da Campanha-URCAMP.
*ana.mazzocato@embrapa.br

O Herbário CNPO da Embrapa Pecuária Sul, localizado em Bagé-RS, tem grande importância na conservação, caracterização, organização e inserção no banco de dados das informações da biodiversidade de plantas nativas do Bioma Pampa. Essas informações, tanto morfológicas, quanto características de ambiente, de substrato, de tipo de solo e de dados de passaporte para registro em caderneta de campo, são importantes para a construção de uma base de dados robusta e eficiente. Nesse sentido, o Herbário da Embrapa Pecuária Sul (CPPSUL) possui ênfase na conservação da flora da região da campanha, embora tenha materiais de outros biomas brasileiros, além do Bioma Pampa. Exemplo disso é o Bioma Mata Atlântica que ocorre no estado. Dessa forma, o objetivo do presente trabalho foi corrigir, validar e posteriormente importar os dados de taxonomia do Herbário CNPO para inseri-los no Alelo *Herbarium*, sistema desenvolvido pela Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia - CENARGEN. A metodologia foi dividida em duas etapas principais, utilizando como base a planilha do projeto REFLORA em uso no Herbário CNPO. Primeiro realizou-se uma correção dos dados da planilha devido a um conflito de informações, onde foram padronizados nomes, datas, entre outros. Para isso, cada dado de taxonomia das plantas do CNPO foi revisado e ajustado, conforme o padrão seguido pelo Alelo. Com isso foram alcançados os requisitos necessários para incluir boa parte da planilha no sistema Alelo *Herbarium*. Na segunda etapa foram então verificados (por meio de reuniões on-line, discussões e suporte da equipe ALELO) e migrados os dados validados para a planilha havendo ainda necessidade de correção e validação do restante dos dados não migrados. Até o momento, 2500 dados foram migrados, dos 3091 dados do Herbário CNPO. Destes, 1326 foram revisados novamente e ajustados para se enquadrar no Alelo *Herbarium*. A implementação deste fluxo de trabalho resultou em uma base de dados mais robusta e confiável, eliminando inconsistências e estabelecendo um padrão para futuras inserções. Além da facilidade, poder utilizar um sistema desenvolvido pela Embrapa, nos fortalece como empresa e como mantenedora de dados de biodiversidade.

Palavras-chave: Alelo vegetal; banco de dados; recursos genéticos

Agradecimentos: CNPq, FAPERGS e Embrapa. À bolsista Eduarda Acosta Soares pelo auxílio no trabalho.



SBRG
Sociedade Brasileira
de Recursos Genéticos



MINISTÉRIO DA
AGRICULTURA E
PECUÁRIA

